

INFORMATYKA – PYTANIA KIERUNKOWE NA EGZAMINY MAGISTERSKIE

1. Parametry opisu warunków ruchowych i ich wpływ na jakość pracy w systemach kolejkowych. (*Badania operacyjne – J. Konorski*)
2. Markowskie modele systemów masowej obsługi i ich zastosowania. (*Badania operacyjne – J. Konorski*)
3. Podać definicję i zastosowania modelu programowania liniowego. (*Badania operacyjne – P. Obszarski*)
4. Klasyfikacja zagadnień szeregowania zadań (*Badania operacyjne – K. Giaro*)
5. Wyjaśnij jak wygląda typowe przyspieszenie obliczeń w aplikacjach równoległych i od czego zależy. (*Systemy obliczeniowe wysokiej wydajności – P. Czarnul*)
6. Wyjaśnij na czym polega nakładanie obliczeń i komunikacji. W jaki sposób może zostać zrealizowane z wykorzystaniem implementacji MPI - Message Passing Interface? (*Systemy obliczeniowe wysokiej wydajności – P. Czarnul*)
7. Wymień podstawowe paradygmaty przetwarzania, które mogą być wykorzystywane przez aplikacje równoległe. (*Systemy obliczeniowe wysokiej wydajności – P. Czarnul*)
8. Omówić podstawowe założenia i cele ministerialnego programu "Polska Cyfrowa 2014-2020" (*Technologie Społeczeństwa Informacyjnego – P. Brudło*)
9. Scharakteryzować sektorowo zastosowanie technologii informatycznych i teleinformatycznych w projektach dla społeczeństwa informacyjnego (*Technologie Społeczeństwa Informacyjnego – P. Brudło*)
10. Jakimi cechami charakteryzują się dobre generatory programowe? (*Modelowanie i symulacja systemów – R. Janczewski*)
11. Omów klasyfikację modeli matematycznych. (*Modelowanie i symulacja systemów – R. Janczewski*)
12. Omów własności liniowego generatora kongruencyjnego. (*Modelowanie i symulacja systemów – R. Janczewski*)
13. Podaj własności funkcji autokorelacji sygnału skończonego w czasie oraz przykład jej zastosowania w analizie szeregów czasowych. (*Podstawy analizy rynków kapitałowych – A. Dyka*)
14. Scharakteryzuj zjawisko konwergencji w kontekście globalnej infrastruktury informacyjnej. (*Globalna infrastruktura informacyjna – T. Gierszewski*)
15. Przedstaw i porównaj protokoły Diameter oraz RADIUS w kontekście globalnej infrastruktury informacyjnej. (*Globalna infrastruktura informacyjna – T. Gierszewski*)
16. Zestawianie pary sekwencji i wielu sekwencji biologicznych - definicje, sposoby oceny, aspekty algorytmiczne. (*Elementy bioinformatyki – K. Giaro*)
17. Metody rekonstrukcji drzew filogenetycznych (*Elementy bioinformatyki – K. Giaro*)